1/1

## FIG. 1.

## DNA sequence of pTom 6

######################################
N V I D D N L F K Q U Y D N I L E Q E F A H D F Q A Y L S Y L S X N I E S N N N X X X X X X X X X X X X X X X X
130
130
1
### ABITGLY AND THE PROPERTY OF THE PROPERTY O
250
\$ 1 T P V Q F V V P K N K N Y L L K Q I T F S G P C R S S I S V K I F S S L E A CATGRAGACCEGITECATTIGESTICCIA AND CAGGATITATETTETE ACCOMPTENCE THICKAGA CONTINUES AND CONT
270 380 390 400 410 420 430 440 450 460 470 480  S S K I S D Y K D R R L H I A F D S V Q N L V V G G G G G T I N G N G O V H H P S GOVERNMENT TO THE CONTROL OF THE CONTROL
370 380 390 400 410 420 430 440 450 460 470 480 S K I S D. Y K D R R L H I A F D S U Q N L U U G G G G T I N G N G Q U H H P S CATCHAUTHANTITICAGACTACAMGATAGAGGETTIGGATIGGATIGGATIGGAGGAGGAGGACTATCAMGAGGACGAGAGGACCACAGGACCACAGGACCACAGGACGAC
S S K I S D. Y K D R R L H I A F D S U Q N L U V G G G G T I N G N G Q U H H P S CATCHAGTAMATTICAGACTACAAGATAGAGGCCTTTGGATTGCTTTTGATAGTGTTCAAATTTAGTTGTTGGAGGAGGAGGACTATCAATGGCCAAGATAGGTGGCCAA 490 500 510 520 530 540 550 550 570 580 590 590 630 S C K I N K S L P C R D A P T A L T F H N C K N L K U N N L K S K N A Q Q I H I STICTIGCAATATATTATCACTGCAGGAGGAGGAGGAGGACTAATCAATGGAGGAGGAGGATATATAT
CATCHASTAMATTICAGCTACCAGGATAGSAGCTTTGGATTGGTTTTGATAGTGTTCCAGATTGATGGGGGGGG
490
S C X ! N X S L P C R D A P T A L T F W N C X N L X V N N L X S X N A Q Q I H I  STICTISCACCATCATACATACATCCCTSCCAGGGGTTSCACCCACGGCCTTACCTTCTGGGATTGCAACCATTTSCAGGTTACATCAGAGTAACACATTCCATA  610 620 630 640 650 660 670 580 690 700 710 729  K F F S C T N V V A S N L H I N A S A K S P N T D 66 V H V S N T Q Y L Q I S D T  TCATATTGCATCATGTTGTGTGCCTTCCCATTTGATGCCACCACGGCCCCACATACTGATGGGGTCCCAGTACCAGTTCCATATATCCATATTCCATATTCCATA  730 740 750 760 770 780 790 800 810 820 830 840  ! I G T G D D C I S I V S G S Q N V Q A T N I T C G P G H G I S I G S L G S G N  CTATTATTGGACCAGGTGATTGATTTCCATTGTTTCGGATCTCACCACGGCCCACCATATTTACTTGTGGTCCAGGTCATGGATCTGGAACAGTCTGGCACAGGACTTGGAACAGGACTTGGAACAGGACTTGGAACAGGACTTGGAACAGGACTTGGAACAGGACTTGGAACAGGACTTGGAACAGGACTTGGAACAGGACTTGGAACAGGACTTGGAACAGGACTTGGAACAGGACTTGGAACAGGACTTGGAACAGACTTGGAACAGACTTGGAACAGGACTTGGAACAGGACTTGGAACAGACTTGGAACAGACTTGGAACAGACTTGGAACAGGACTTGGAACAGACTTCAACATTTGATGGAACAACAACAACAACAACAACAACAACAACAACAACAA
\$\frac{1}{610}\$ 620 630 640 650 660 670 580 630 700 710 729 \\ \frac{1}{610}\$ 620 630 640 650 660 670 580 630 700 710 729 \\ \frac{1}{610}\$ 620 630 640 650 660 670 580 630 700 710 729 \\ \frac{1}{610}\$ 620 630 640 650 660 670 580 630 700 710 729 \\ \frac{1}{610}\$ 620 630 640 650 660 670 580 630 700 710 729 \\ \frac{1}{610}\$ 620 630 640 650 660 670 580 630 700 710 729 \\ \frac{1}{610}\$ 620 630 640 650 660 670 580 630 700 710 729 \\ \frac{1}{610}\$ 620 630 640 650 660 670 580 630 700 710 729 \\ \frac{1}{610}\$ 620 630 640 650 660 670 580 630 700 710 729 \\ \frac{1}{610}\$ 620 630 630 700 710 729 \\ \frac{1}{610}\$ 620 630 630 740 750 760 770 780 790 880 800 810 829 830 840 \\ \frac{1}{610}\$ 620 630 640 750 760 770 780 790 880 800 810 829 830 840 \\ \frac{1}{610}\$ 620 620 620 620 620 620 620 620 620 620
610 620 630 640 650 650 660 670 580 690 700 710 729  K F F S C T N V V A -S N L -M I N A S A K S P N T D -6 V H V S N T -Q Y I Q I S D T  TCA-ATTIGA-GETCATGCACTTCA-CATTIGATGATCCA-CATCCTCAGCAAAGAGCCCCA-CATACTGATGATCCA-CATACTCC-ATACTTCA-CATACTCC-ATACTTCACTACTCC-ATACTCC-CATACTC-CATACTC
K F F S C T N U U A S N L H I N A S A K S P N T D G V H V S N T Q Y I Q I S D T T C A T I G T G Q 7 1 Q 7 1 Q I S D T T C A T I G T G D D C I S I V S G S Q N V Q A T N I T C G P G H G I S I G S L G S G N C C A T X I S D S D S D S D S D S D S D S D S D D C I S I V S G S Q N V Q A T N I T C G P G H G I S I G S L G S G N C C A T X I S D D D C I S I V S G S Q N V Q A T N I T C G P G H G I S I G S L G S G N C C A T X I S D D D C I S I V S G S Q N V Q A T N I T C G P G H G I S I G S L G S G N C C A T X I S D D D D D D D D D D D D D D D D D D
TCAATTTGASTCATGCACTAATGTTGTAGCTTCAATTTGATGATCAATGCTTCAGCAAGAGGCCCAATACCTGATGGATG
730 740 750 760 770 780 790 800 810 829 830 840  ! I G T G D D C I S I V S G S Q N V Q A T N I T C G P G H G I S I G S L G S G N  CTATTATTGG==============================
I I G T G D D C I S I V S G S Q N V Q A T N I T C G P G H G I S I G S L G S G N CHATTATTGGGGGGGGGGGGGGGGGGGGGGGGGGGGGGGG
CTATTATTGGS+CAGGGTGATGATTGTATTCATTGTTTCTGGATCTCAAAATGTGCAGGCCACAAATATTACTTGTGGTCCAGGTCATGGTATAGGATCTGGSAA  850 860 870 880 890 900 910 920 930 940 950 960  S E A Y V S N V T V N E A K I I G A E N G V R I X T H Q G G S G Q A S N I K F L  ATTCAGS+AGCTTATGTGTCTAATGTTACTGTACATGAGCCCACAATATTACGGTGCCGCACATGGAGTTAGGATCTAGGATCTGGACAAGCTACCACATCCACATTTC  970 980 990 1000 1010 1020 1030 1040 1050 1060 1070 1080  N V E M Q D V K Y P I I I D Q N Y C D R V E P C I Q Q F S A V Q V K N V V Y E N  TS-ATGGGS-CAGGCGGAGCGTTAAGGTATCCCATAATTATGGACCACACTATTGGATCGAGTTGAACAACGTTTTCAGCCAGTTCCAGTGGACCACATGTGAGAA  1090 1100 1110 1120 1130 1140 1150 1160 1170 1180 1190 1200  I K G T S A T K V A I K F D C S T N F P C E G I I H E N I N L V G E S G K P S E  ATATCCAGGGCACCACGGTGCCACCACGGTGGCCCATACCATTGGATGCACCACCTTTCCATGTGCAGGGATTATCATTTAGGAGGGAACACCATCACCACCACCACCACCACCACCACCACCACCA
\$50 860 870 880 890 900 910 920 930 940 950 960 \$ \$ \$ \$ \$ \$ \$ \$ \$ \$ \$ \$ \$ \$ \$ \$ \$ \$ \$
S E A Y V S N V T V N E A K 1 I 6 A E N 6 V R I X T H Q 6 G S 6 Q A S N I X F L  ATTCAGAGGCTTATGTGCTCAATGTTACTGTACATGAGCCCAAATTATCGGTGCCGAAATGGAGTTAGGATCAGGCTTGGCAGGGAGGATCTGGACAAGCCTACCACATTC  370
ATTCAGA-AGCTTATGTGTCTAATGTTACTGTACATGAGCCAAAATTATCGGTGCCGAAATGGAGTTAGGATCAGGATTGGCAGGAGGATCTGGACAAGCTAGCAACATCACATTTC  970 980 990 1000 1010 1020 1030 1040 1050 1060 1070 1080  N U E M Q D U K Y P I I I D Q N Y C D R U E P C I Q Q F S A U Q U K N U U Y E N  TS-ATGTGG-AGTGCA-GGCGTTAAGTATCCCATAATTATGAGCCAAACTATTGGATCGAGTTG-ACCATGTTTCAGCAGTTTCAGGTGCA-CATTTGGAGA  1090 1100 1110 1120 1130 1140 1150 1160 1170 1180 1190 1200  I K S T S A T K U A I K F D C S T N F P C E G I I H E N I N L U G E S G K P S E  ATATCA-GGGCACA-GGTGCA-CA-GGGTGGCCATA-CATTGGATGCAGCACATCTTCCATGTG-AGGA-ATTATAATGGAGG-ATATA-ATTTAGTAGGGG-AAGTGGAA-CCATCAG  1210 1220 1230 1240 1250 1250 1270 1290 1290 1300 1310 1320  A T C K N U H F N N A E H U T P H C T S L E I S E D E A L L Y N Y ±  AGGCTAGGTGCA-CATGTCCATTTTAACATGCTG-ACATGTTCCCCCCCACATCTCCCTTCCATGGAGATTTCCAGGGGTG-AGGTCTTTTGTTATATTAATTATTAATTATTAATTATTAATTA
970 980 990 1000 1010 1020 1030 1040 1050 1060 1070 1080 N U E M Q D U K Y P I I I D Q N Y C D R U E P C I Q Q F S A U Q U K N U U Y E N TS-ATSTGGS-ATGCCAGGS-CATTATATAGACCCACACTATTSTGGTTG-ACCTGTTC-AGTGGACACTTTTCAGCAGTTC-AGTGGACACTTTTCAGCAGTTC-AGTGGACACTTTTCAGCAGTTC-AGTGGACACTTTTCAGCAGTGT-CAGTGGACACTTTTCAGCAGTGT-CAGTGGACACTTTTCAGGAGTGGACACTTTTCAGGAGTGGACACACTTTTCAGGAGTGT-CAGTGGACACTTTCCAGGAGAGTGT-CAGTGGACACACTTTCAGGAGGATTATAATGGAGGATATACATTTAGTAGGGGGACACACCTTCCATGTGCAGGACACTTTCCATGTGGAGGATTATAATGGAGGATATACATTTAGTAGGGGGACACACCTTCCATGTGCAGGAATTATAATGGAGGATTATAATTTAGTAGGGGGACACACCTTCAGAGGTAGCATTTCAGAGGGATGAGGTCTTTTGATTACCATGAGAGTTTACACTAGAGGATGAGGTCTTTTGATTACTATAGTTATACTATAGATTTAACTATAACTATAATTAACTAACACACACCAACCAACCTAACACTAACACTAACACTAACACTAACACTAACACACACCAACCAACCAACCAACCAACCAACCAACACTAACACTAACAAC
N V E H Q D V K Y P I I I D Q N Y C D R V E P C I Q Q F S A V Q V K N V V Y E N  TS-ATGIGS-MATGCA-GACGITA-AGTATCCCATAATTATAGACCA-MACTATTGTGATCS-ACCCATGTTGA-ACCAGGTTTCAGCAGTTC-AGTGG-MACTGTGTGATATGAGA  1090 1100 1110 1120 1130 1140 1150 1160 1170 1180 1190 1200  I K S T S A T K V A I K F D C S T N F P C E G I I H E N I N L V G E S G K P S E  ATATCM-GGGCACM-GTGCCACM-GGTGGCCATM-CATTGATTGCAGCACM-CTTTCCATGTGA-GG-ATTATAATGGAGG-ATATAM-TTTAGTAGGGG-MACCATCAG  1210 1220 1230 1240 1250 1250 1270 1280 1290 1300 1310 1323  A T C K N V H F N N A E H V T P H C T S L E I S E D E A L L Y N Y **  AGGCTACGTGC-MACTGTCCATTTTAACCATGCTG-ACATGTTCACCACCACCACCTGCACATTTCCATGGAGGATG-AGGTCTTTTGTTATATTAATTATTAATTTAAT
TS-ATSTGS-MATGCCAGGCSTTAAGTATCCCATAATTATAGACCAMACTATTSTGATCSAGTTS-ACCATGTTATACAACAGTTTTCAGCAGTTCCAGTGCAMACTSTGGTSTATGAGA 1090 1100 1110 1120 1130 1140 1150 1160 1170 1180 1190 1200 I K S T S A T K V A I K F D C S T N F P C E G I I H E N I N L V S E S G K P S E ATATCCAGGGCACCAGGTGCCACCAGGGTGGCCATACCATTGCATGCA
1090 1100 1110 1120 1130 1140 1150 1160 1170 1180 1190 1200 I K S T S A T K V A I K F D C S T N F P C E G I I H E N I N L V G E S G K P S E ATATCA-GGGCACA-GGTGC-ACA-GGTGGCACA-CTTTCCATGTG-AGG-ATATCA-TTAGTAGGGG-ACA-GTTGATGCAGCATCA-E 1210 1220 1230 1240 1250 1250 1270 1280 1290 1300 1310 1320 A T C K N V H F N N A E H V T P H C T S L E I S E D E A L L Y N Y ± AGGCTAGGTGCACA-TGTGCACA-CGCACCACCACCACCACCTGCACTTCCACTAGGAGGTTG-AGGTCTTTTGTATCATTATTATTATTATTATTATTATTATTATTATTATT
I K S T S A T K V A I K F D C S T N F P C E S I I M E N I N L V S E S S K P S E ATATEM GGGCA CAMB G
ATATCA-GGGCACA-GGTGCACA-AGGTGGCCATAA-ATTTGATTGCAGCACA-ACTTTCCATGTG-AGG-ATTATA-ATGGAG-ATATA-ATTTAGTAGGGG-AGTGG-AA-ACCATCAG 1219 1229 1230 1240 1250 1250 1270 1280 1290 1300 1319 1329 A T C K N V H F N N A E H V T P H C T S L E I S E D E A L L Y N Y ± AGGCTACGTGCA-AATGTCCATTTTAACA-TGCTG-ACATGTTCACCACCACCACCTGCACTTCACTAG-AATTTCAGAGGATG-AGGTCTTTTGTATAATTTAATT
1210 1220 1230 1240 1250 1250 1270 1280 1290 1290 1300 1310 1329 A T C K N V H F N N A E H V T P H C T S L E L S E D E A L L Y N Y * AGGCTACGTGCACATGTCCATTTTAACAATGCTGCACATGTCACCACCACCACCACCACCACCACCACCACTGCACTTCACGAGGATGCAGCTCTTTTGTATAATTATTAATTA
A T C K N V H F N N A E H V T P H C T S L E I S E D E A L L Y N Y * AGGCTACGTGCAYAATGTCCATTTTAACAATGCTGACATGTTACACCACCACCACCACCACCACCACCACCACCACCACC
AGGCTACGT GCAAAATGT CCATTTTAACAATGCTGACATGTTACACCACACTGCACTTCACTAGAAATTTCAGAGGATGAAGCTCTTTTGTATAATTAAT
1330 1340 1350 1360 1370 1380 1390 1400 1410 1420 1430 1440
TCANTATATAGGAGATATGATATATCACAATAAACAAATCTATATCTATGTATTGAATAATTATTAATATGTAGGATTGAAGTTTTAATAA
1450 1460 1470 1480 1490 1500 1510 1520 1530 1540 1550 1560
######################################

STC<del>XXXXGTTTGACGATTGTACTTTTTAA</del>TGTAC<del>XXXX</del>ATAAT<del>AXXA</del>TGGTTATTTATATG<del>XXXXXXXXXXX</del> 1579 1580 1590 1600 1610 1620 1630